

## Materiais

Isopor com gelo  
 Tubos eppendorf 0,5 ml, pipetas, tips;  
 Água RNase-free;  
 Papel-toalha  
 Pissete de H<sub>2</sub>O destilada

## Procedimento

- 1 - Manter soluções de RNA no gelo;
- 2 - Ligar o computador e clicar em *NanoDrop 2000*, no desktop;
- 3 - Escolher o tipo de material a ser analisado (no caso, *NUCLEIC ACID*);
- 4 - A janela do programa irá abrir. Clicar em *type* e marcar se for RNA (rosa), com o braço fechado (calibração)
- 5 - Escolher a unidade de concentração (ng/μL);
- 6 - Por 1,5 uL de água e secar com papel toalha encostando levemente no suporte metálico, deixando que a água seja absorvida;
- 7 - Por 1,5 uL de água usada para diluir a amostra (BRANCO);
- 8 - Clicar em **Blank** e depois em **Measure** ;
- 9 - Após a leitura, renomear a amostra em *Sample ID*;
- 10 - Após ler o BRANCO, automaticamente se abrirá uma janela pedindo que este branco seja salvo no formato de leitura do próprio programa, nomeie a pasta e salve, se desejar;
- 11 - Abrir o leitor, limpar com o papel e por a próxima amostra;
- 12 - Clicar em **Measure** e renomear a amostra. Repetir os passos 8 e 9 nas próximas amostras;

13 - Se o numero de amostras for maior que dez, calibre novamente com o branco, a cada 10 leituras;

14 - Ao final das leituras clicar em **Report**, depois em **Export**, salvar na pasta RM dentro de *My Documents*;

*OBS<sub>1</sub>: O documento será um .xls*

*OBS<sub>2</sub>: Para síntese de DNA, copiar os valores de concentração em ng/μl para o arquivo [8\_Protocolo de síntese de cDNA]*

15 - Limpar sonda com H<sub>2</sub>O

16 - Registrar uso do equipamento

Reagentes	Fonte
Água RNase free #10977	Promega